

Inhaltsverzeichnis

Inhaltsverzeichnis	I
Abbildungsverzeichnis	V
Tabellenverzeichnis	VII
1. Einleitung.....	1
1.1. Autophagie	1
1.1.1. Die GABARAP-Familie.....	2
1.1.1.1. GABARAP	4
1.1.1.2. Atg8	5
1.2. Apoptose	6
1.2.1. Die Bcl-2-Familie	6
1.2.1.1. Bcl-2.....	7
1.2.1.2. Nix	8
1.3. Schnittstellen zwischen Autophagie und Apoptose.....	9
2. Zielsetzung dieser Arbeit	11
3. Wissenschaftliche Publikationen	13
3.1. Referenz 1	15
3.2. Referenz 2	35
3.3. Referenz 3	47
3.4. Referenz 4	87
3.5. Referenz 5	93
3.6. Referenz 6	101
4. Zusammenfassung	113
5. Summary	115
Abkürzungsverzeichnis	117
Literaturverzeichnis	119

Anhang	125
A1. Material	125
A1.1. Verwendete Materialien und Chemikalien	125
A1.2. Verwendete Enzyme	125
A1.3. Verwendete Peptide.....	126
A1.4. Bakterienstämme und Plasmide.....	126
A2. Methoden	129
A2.1. Molekularbiologische Methoden	129
A2.1.1. Kultivierung und Lagerung von <i>E. coli</i>	129
A2.1.2. Transformation von <i>E. coli</i>	129
A2.1.3. Desoxyribonukleinsäure (DNA)-Isolierung.....	130
A2.1.4. Konzentrationsbestimmung der DNA.....	130
A2.1.5. Polymerasekettenreaktion (PCR).....	130
A2.1.5.1. Amplifizierung von DNA	131
A2.1.5.2. Kolonie-PCR mit <i>E. coli</i>	131
A2.1.5.3. Ortsspezifische Mutagenese.....	132
A2.1.6. DNA-Gelelektrophorese	132
A2.1.7. Enzymatischer Verdau von DNA mittels Restriktionsenzymen.	133
A2.1.8. Dephosphorylierung.....	133
A2.1.9. Extraktion der DNA-Fragmente aus Agarosegelen	133
A2.1.10.Ligation von DNA	134
A2.1.11.Sequenzierung der DNA	134
A2.2. Expression und Reinigung rekombinanter Proteine	135
A2.2.1. Anzucht der Bakterien	135
A2.2.2. Aufschluss der Bakterien	136
A2.2.3. GABARAP	137
A2.2.3.1. Affinitätschromatographie	137
A2.2.3.2. Limitierte Proteolyse des GST-GABARAP-	
Fusionsproteins.....	137
A2.2.3.3. Größenausschlusschromatographie.....	138
A2.2.4. Nix Δ C	138
A2.2.4.1. Affinitätschromatographie	138

A2.2.4.2. Limitierte Proteolyse des GST-Nix Δ C-Fusionsproteins.....	139
A2.2.4.3. Größenausschlusschromatographie	139
A2.2.5. Bcl-2/ x_L	140
A2.2.5.1. Solubilisierung und Rückfaltung des unlöslichen Bcl-2/ x_L	140
A2.2.5.2. Affinitätschromatographie	141
A2.2.5.3. Limitierte Proteolyse des His ₆ -Bcl-2/ x_L -Fusionsproteins.....	141
A2.2.5.4. Größenausschlusschromatographie	141
A2.2.6. TEV-Protease	142
A2.2.6.1. Affinitätschromatographie	142
A2.2.6.2. Größenausschlusschromatographie	143
A2.2.7. Atg8.....	143
A2.2.7.1. Affinitätschromatographie	143
A2.2.7.2. Limitierte Proteolyse des GST-Atg8-Fusionsproteins	144
A2.2.7.3. Größenausschlusschromatographie	144
A2.3. Proteininnachweis und Konzentrationsbestimmung.....	144
A2.3.1. SDS-PAGE nach Laemmli.....	144
A2.3.2. UV-Vis-Spektroskopie	145
A2.4. Kernresonanzspektroskopie, Spektrenanalyse und Strukturberechnung ..	146
A2.4.1. Probenvorbereitung.....	146
A2.4.2. NMR-Experimente	147
A2.4.3. Bcl-2/ x_L	150
A2.4.3.1. Resonanzzuordnung von Bcl-2/ x_L	150
A2.4.3.2. Docking des Bcl-2/ x_L -GABARAP-Komplexes.....	150
A2.4.4. Atg8.....	151
A2.4.4.1. Resonanzzuordnung des Atg8	151
A2.4.4.2. NOE-Spektroskopie	151
A2.4.4.2.1. Bestimmung des heteronuklearen ¹⁵ N{ ¹ H}-NOE	151
A2.4.4.3. Strukturbestimmende Parameter.....	152
A2.4.4.3.1. Interproton-Abstandseinschränkungen ..	152
A2.4.4.3.2. Torsionswinkeleinschränkungen.....	153

A2.4.4.3.3. Abstandseinschränkungen für Wasserstoffbrückenbindungen	153
A2.4.4.4. Strukturberechnung.....	153
A2.5. Oberflächenplasmonenresonanz-Spektroskopie.....	154
A2.5.1. Immobilisierung der Liganden.....	155
A2.5.2. Datenaufnahme und Prozessierung	155
A2.5.3. Bindungsstudie NixΔC an GABARAP	137
A2.5.4. Bindungsstudie GABARAP an Bcl-2/x _L	137
A3. Abkürzungsverzeichnis.....	138
A4. Literaturverzeichnis	141
Danksagung.....	144
Erklärung zur Promotion	146