Inhaltsverzeichnis

	Zusammen	fassung	5
	Abstract		6
1	Einleitung		7
	1.1 Physi	kalische Aspekte der γ-Strahlung	7
	1.2 DNA-Schäden und deren Reparatur		
	1.3 Lymphozyten als geeignetes strahlenbiodosimetrisches Target		
	1.4 Strahlenempfindliche zelluläre Proteine für die Strahlenbiodosimetrie		
	1.4.1	Proteine der DNA-Repartur	16
	1.4.2	Proteine der Apoptose und Signaltransduktion	18
	1.4.3	Strukturproteine	21
	1.4.4	Proteine nach oxidativen Stress	23
	1.4.5	Glycolyseproteine	23
	1.4.6	Proteomuntersuchungen	24
	1.5 Zielse	etzung	26
2	Material und Methoden		27
	2.1 <i>In-Vitro</i> -Bestrahlung menschlichen Vollbluts und Separation der		
	Lymphozyten		
	2.2 Trennung der lymphozytären Proteine mittels 2D- Gelelektrophorese		28
	2.2.1	Lyse der Lymphozyten	28
	2.2.2	Proteinreinigung	29
	2.2.3	Isoelektrische Fokussierung (1. Dimension)	29
	2.2.4	SDS-PAGE (2. Dimension)	29
	2.2.5	Färbung und Auswertung der 2D-Gele	30
	2.3 Enzymatischer Aufschluss der Proteine und Identifikation mit Nano-		
	HPLC-MS/MS		
	2.3.1	Aufschluss der Proteine mit Trypsin	32
	2.3.2	Analyse der Proteine mittels Nano-HPLC-MS/MS	33

	2.4 Überprüfung der gelelektrophoretisch analysierten Proteine durch		
	Bestimmung ihrer Genexpressionsveränderungen		
	2.4.1 Isolierung der mRNA aus Lymphozyten	35	
	2.4.2 Synthese von cDNA aus mRNA	37	
	2.4.3 Taq Man TM - Genexpressionsanalysen und Real-Time-PCR	38	
3	Ergebnisse	41	
	3.1 Analyse strahlenempfindlicher lymphozytärer Proteine	42	
	3.2 Massenspektrometrische Identifizierung strahlenempfindlicher Proteine	45	
	3.3 Genexpressionanalyse mittels RT-qPCR Methode	52	
4	Diskussion	59	
5	Literatur	69	
6	Verzeichnis der Abbildungen und Tabellen	85	
7	Abkürzungsverzeichnis		
8	Anhang	93	